

中华人民共和国农业行业标准

NY/T 1673—2008

畜禽微卫星DNA遗传多样性 检测技术规程

Detection procedures of microsatellite DNA detection of
genetic diversity for domestic animals and poultry

2008-08-28 发布

2008-10-01 实施

中华人民共和国农业部 发布

前 言

本标准的附录 A、附录 B、附录 C、附录 D、附录 E、附录 F、附录 G、附录 H、附录 I、附录 J 为资料性附录。

本标准由中华人民共和国农业部畜牧业司提出。

本标准由全国畜牧业标准化技术委员会归口。

本标准起草单位：全国畜牧总站。

本标准主要起草人：郑友民、张桂香、刘丑生、王志刚、于福清、孙秀柱、孙飞舟、赵俊金。

畜禽微卫星 DNA 遗传多样性检测技术规程

1 范围

本标准规定了猪、牛、羊、鸡等畜禽微卫星 DNA 遗传多样性检测的技术规程。
本标准适用于猪、牛、羊、鸡等畜禽遗传特性分析、遗传距离测定、亲缘关系分析等。

2 规范性引用文件

下列文件中的条款通过本标准的引用而成为本标准的条款。凡是注日期的引用文件，其随后所有的修改单(不包括勘误的内容)或修订版均不适用于本标准，然而，鼓励根据本标准达成协议的各方研究是否可使用这些文件的最新版本。凡是不注日期的引用文件，其最新版本适用于本标准。

GA/T 383 法庭科学 DNA 实验室检验规范

3 术语和定义

下列术语和定义适用于本标准。

3.1

微卫星 **microsatellite**

也称短串联重复序列或简单重复序列(short tandem repeats, STRs; simple sequence repeats, SSRs),以 1 bp~6 bp 的短核苷酸序列为基本单位,呈串联重复状散在分布于生物体基因组中。

3.2

座位 **locus**

基因在染色体上的位置称为座位。

3.3

等位基因频率 **allele frequency**

给定座位上某等位基因所占的比例。

3.4

遗传杂合度 **heterozygosity, h**

群体中某个座位为杂合子的比例,用于衡量标记方式的信息含量程度。

3.5

平均遗传杂合度 **average heterozygosity, H**

反映群体在多个基因座上的遗传变异程度。

3.6

多态信息含量 **polymorphism information content, PIC**

在某一群体中可以利用多态性遗传标记作为遗传标志进行基因连锁分析的概率。既利用此多态性遗传标记在群体中进行基因诊断的诊断率。等位基因数目越多,等位基因频率分布越均匀,多态信息含量越大。

3.7

遗传分化系数 **coefficient of gene differentiation, G_{ST}**

反映群体的分化程度,其值在 0~1 之间。多座位时,平均基因分化系数是所有座位的基因分化系数的算术平均值。